Warszawa, dnia 03.01.2023 r.

WB-372/W-002/2022

**Do wszystkich Wykonawców**

W związku z pytaniami dotyczącymi części 5 z dnia 20.12.2022 opisu przedmiotu zamówienia Zamawiający modyfikuje **załącznik nr. 1 Opis przedmiotu zamówienia:**

1. W części 1 pkt. 11 i 12 w takim brzmieniu:

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| 11 | Synteza oligonukleotydów DNA znakowanych pojedynczo, o długości od 15 do 80 nukleotydów, skala 200 nmol, oczyszcz. HPLC - Dowolne znakowanie fluoroscencyjne końca 5’, 3’ lub obu końców | 10 |
| 12 | Synteza oligonukleotydów DNA znakowanych podwójnie, o długości od 15 do 80 nukleotydów, skala 200 nmol, oczyszcz. HPLC - Dowolne znakowanie fluoroscencyjne końca 5’, 3’ lub obu końców | 10 |

1. W części 3 modyfikuje zapis w pkt. 1 w takim brzmieniu

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| 1 | Sekwencjonowanie metodą Sangera (odczyt standardowy) z użyciem primerów dostarczonych przez Zamawiającego.Warunki: - długość odczytu cn. 800 ntOdczyt powinien być, co najmniej 800 pz (np. 800 - 1100) dla plazmidu. Odczyty produktów PCR nie muszą spełniać tego warunku, gdyż długość sekwencjonowanych produktów PCR nie będzie większa niż 450 pz | 400 reakcji |

**Zatwierdził**

**Dziekan Wydziału Biologii UW**

**prof. dr hab. Krzysztof Spalik**